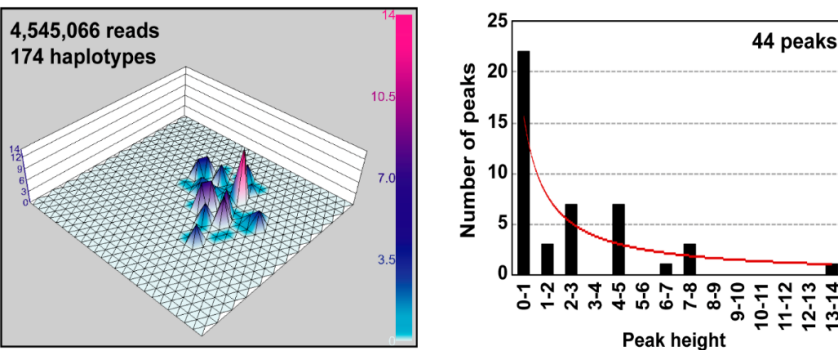


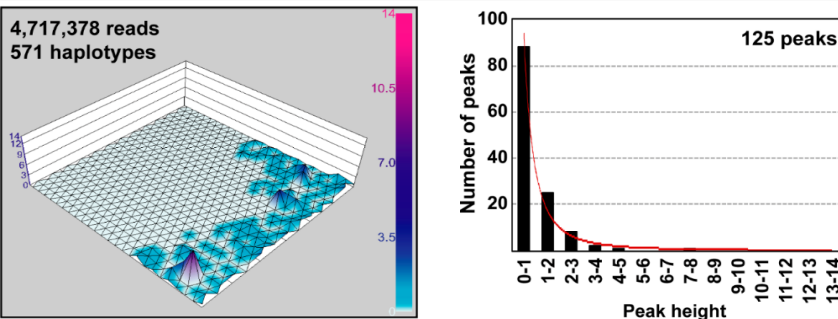
Aplicaciones de la IA al estudio de espectros de mutantes de cuasiespecies virales

Grupo: SGL2103051 “Modelos biológicos basados en dianas”

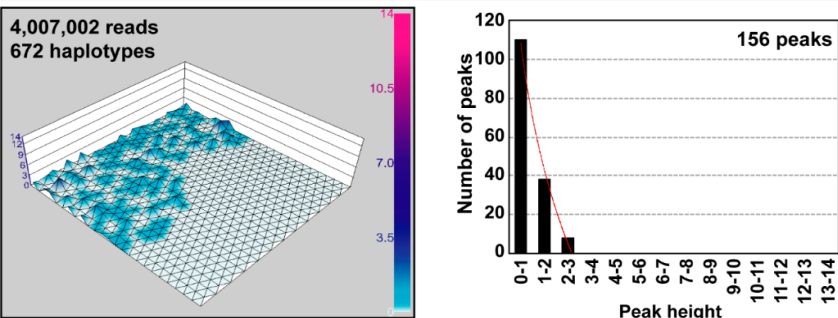
Group HCV p0



Group HCV p100



Group HCV p200



La anticipación de las **trayectorias evolutivas**, combinada con la identificación de **sitios conservados**, ayudará en el desarrollo de **vacunas** con una amplia cobertura de protección y de **agentes antivirales** pangenotípicos.

Mapas autoorganizados (SOM) para el análisis de espectros de mutantes

Visualización en baja dimensión de datos de entrada de alta dimensión

Relaciones entre diferentes haplotipos

Soledad Delgado (Universidad Politécnica de Madrid)

Federico Morán (Universidad Complutense de Madrid)

Cecilio López Galíndez (Centro Nacional de Microbiología. ISCIII)

Javier Muñoz Flores y Segismundo Jiménez (Management Solutions)

(Delgado et al. Microbiol Spectr 9:e01459-21)

